**病原体宏基因组二代测序检测试剂质量评价联合研究（2019）方案**

**研究目的：**病原体宏基因组二代测序检测试剂质量评价联合研究（2019）

**总体方案：**模拟样本检测、结果反馈、揭盲、重新分析并反馈、汇总分析

**样本组成：**9个模拟脑脊液混合感染（包括病毒、细菌和真菌）样本

表1 样本组成和规格

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| 编号 | 体积 | 数量 | 性状 | 储存条件 |
| M1 | 均≥0.6 mL/支 | 各1支 | 冷冻液体 | -70℃ |
| M2 |
| M3 |
| M4 |
| M5 |
| M6 |
| M7 |
| M8 |
| M9 |

**检测要求：**对样本中的总DNA和总RNA均进行检测。

**样本处理：**样本融化并平衡至室温后，取200 µl提取核酸。

**操作步骤：**

1. 对M1~M9各检测1次。
2. 对M1~M8按1:10稀释，记作M1-10~M8-10并各检测10次。

注：1.检测结果正常后再进行2.检测。建议使用生理盐水进行稀释。

1. 按要求格式填写检测原始记录并提交。
2. 按要求提交检测结果后，对比样本揭盲信息，重新整理检测原始记录并提交。
3. 根据样本揭盲信息，重新分析原始测序数据，重新整理检测原始记录并提交。

**注意事项：**

1. 本参考品虽经灭活处理，但在使用过程中仍应按照传染性物质进行处理，操作应按实验室安全管理条例执行。
2. 按照要求格式填写并反馈检测原始记录，不符合要求的单位将被视为主动终止联合研究。